

eMail: matte.malaguti@gmail.com; dott

LABOKLIN GmbH&CoKG . Postfach 1810 . 97668 Bad Kissingen

Medico Veterinario
Dott. Emmanuele Vannacci
Via Della Sorgente 17
40037 Sasso Marconi (BO)
Italia

Referto

Nr.: 2003-W-11700
Data di arrivo: 05-03-2020
Inizio lavorazione: 05-03-2020
Data referto: 27-08-2020
Termine lavorazione: 13-03-2020

Dati del paziente:	Cane	maschio	* 15.02.2019
	Border Collie		
Proprietario:	Malaguti, Matteo		
Materiale:	Sangue in EDTA		
Data del prelievo:	26-02-2020		

Parametro	Risultato	Valori di riferimento
-----------	-----------	-----------------------

Nome:	Jock	
Numero Pedigree:	LO 1969286	
Numero Microchip:	380260101229112	
Tatuaggio:	---	

Sindrome di Raine

Esito: Genotipo N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile della Sindrome di Raine nel gene FAM20C.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: Border Collie

Sindrome di Imerslund-Gräsbeck (IGS) - PCR

Esito: Genotipo N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile di IGS nel gene CUBN.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: Border Collie

Neutropenia ciclica (TNS) - PCR

Esito: Genotipo N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile della Neutropenia ciclica (TNS) nel gene VPS13B.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: Border Collie

Lipofusinosi ceroide neuronale (NCL) - PCR

Esito: Genotipo N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile della NCL nel gene CL5.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: Border Collie

Glaucoma e goniodisgenesia (GG) - PCR

Esito: Genotipo N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile del glaucoma nel gene OLFML3.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad

oggi descritta nelle seguenti razze: Border Collie

Neuropatia sensoriale (SN) - PCR

Esito: Genotipo N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile della SN nel gene FAM134B.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: Border Collie

***MDR1-Sensibilità all'Ivermectina - PCR**

Esito: Genotipo N/N (+/+)

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile della MDR nel gene ABCB1.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: Australian Shepherd, Bobtail, Border Collie, Pastore Tedesco, Elo, Collie a pelo lungo e a pelo corto, Whippet a pelo lungo, Mc Nab, Shetland Sheepdog, Silken Windhound, Wäller, Pastore svizzero bianco, Miniature American Shepherd

Attenzione: in casi singoli anche i soggetti portatori possono manifestare la patologia.

Il test viene eseguito secondo la pubblicazione di Mealey et al. (2001) "Ivermectin sensitivity in collies is associated with a deletion mutation of the MDR1 gene." e conferma la mutazione MDR1 nt230 (del14).

L'esecuzione del test genetico MDR1 avviene in un laboratorio partner e segue le indicazioni DIN EN ISO/IEC 17025. La responsabilità per l'accuratezza delle informazioni riguardo ai campioni inviati rimane del mittente.

***Collie Eye Anomalie (CEA) - PCR**

Esito: Genotipo: N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile di CEA nel gene NHEJ1.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: Australian Kelpie, Australian Shepherd, Bearded Collie, Border Collie, Boykin Spaniel, Collie e pelo corto e a pelo lungo, Hokkaido, Lancashire Heeler, Miniature American Shepherd, Nova Scotia Duck Tolling Retriever, Shetland Sheepdog, Silken Windhound, Whippet a pelo lungo

Il mittente è responsabile per le corrette informazioni riguardanti il materiale inviato. Il laboratorio non ne è responsabile. Inoltre, ogni obbligo a risarcimenti è limitato al valore del test eseguito.

L'analisi è stata eseguita secondo le ultime conoscenze e tecnologie.

Il laboratorio è accreditato per l'esecuzione di questo test secondo DIN EN ISO/IEC 17025:2005 (fanno eccezione i test di laboratori partner)

Questi risultati fanno riferimento al campione inviato al laboratorio.

Il campione risulta adatto per l'analisi, ove non sia stato fornito altro materiale.

Il mittente è responsabile della correttezza delle informazioni sui campioni inviati.

Questo referto può essere trasmesso solamente completo e inalterato.

Per procedere in modo diverso è necessaria l'autorizzazione scritta da parte di Laboklin GmbH & Co. KG.

*** FINE del referto ***

Fr. Dipl.-Ing. Christina Dangel
Abt. Molekularbiologie

*: effettuato presso laboratori partner